

## 2 - Norme Hprim

Soumis par Alain GIBILY  
18-11-2007  
Dernière mise à jour : 23-12-2009

Norme HPRIM de présentation de fichiers biologiques

et aussi de lettres médicales destinée à être reconnue automatiquement par l'ordinateur du destinataire.

Quelques références :

<http://www.hprim.org/>

<http://www.medsyn.fr/perso/g.perrin/cyberdoc/inform/hprim.htm>

<http://fr.wikipedia.org/wiki/HPRIM>

Un exemple de courrier de biologie :

0000063743

BIDULE

PHILIPPE

11 Rue Henri Dunant

51000 CHALONS EN CHAMPAGNE

07/07/60

160075110803833

0707213548

13/07/07

Labo.crave LABORATOIRE LEGENTIL

GIBILY Alain.GIBILY

Examen(s) du: 13/07/07

## Biochimie

GLYCEMIE à jeun. . . . . 0,79 g/l

4,38 mmol/l

HEMOGLOBINE GLYQUEE (HbA1 6,6 \*%

\*\*\*\*LAB\*\*\*\*

TEX| Examen(s) du: 13/07/07

TEX|

TEX| Biochimie

TEX|GLYCEMIE à jeun. . . . . 0,79 g/l

TEX| 4,38 mmol/l

RES|GLYCEMIE à jeun|glyc|N|0.79|g/l|||N|F|4.38|mmol/

TEX|HEMOGLOBINE GLYQUEE (HbA1 6,6 \*%

RES|HEMOGLOBINE GLYQUEE (HbA1C)|HBA1C|N|6.6|%|||H|F

\*\*\*\*FIN\*\*\*\*

\*\*\*\*FINFICHIER\*\*\*\*

Trois parties :  
L'entête HPRIM permet d'identifier le document.

Voici le standard :

// line 1 Patient ID (num or name + surname)

// 2 Patient Family name

// 3 Patient name  
// 4 Adresse 1  
// 5 Adresse 2  
// 6 Code Postal / Ville  
// 7 Date Naissance  
// 8 No SS  
// 9 Code ?  
// 10 Date Examen  
// 11 Identifiant médecin Expéditeur  
// 12 Identifiant Médecin Destinataire

La norme Hprim 1

Aucun élément structuré. Texte libre

On peut essayer de reconnaître des mots et des enchaînements... avec de gros risques d'erreurs et de non reconnaissance.

La norme Hprim2

En bas de la page il existe un début de structuration des données biologiques avec un standard assez intéressant lorsqu'il est respecté...

\*\*\*\*LAB\*\*\*\*

TEX| Examen(s) du: 13/07/07

TEX|

TEX| Biochimie

TEX|GLYCEMIE à jeun. . . . . 0,79 g/l

TEX| 4,38 mmol/l

RES|GLYCEMIE à jeun|glyc|N|0.79|g/l||N|F|4.38|mmol/

TEX|HEMOGLOBINE GLYQUEE (HbA1 6,6 \*%

RES|HEMOGLOBINE GLYQUEE (HbA1C)|HBA1C|N|6.6|%||H|F

\*\*\*\*FIN\*\*\*\*

\*\*\*\*FINFICHIER\*\*\*\*

En l'état d'autres normes sont à l'étude avec le DMP;

En attendant travaillons avec ce qui est disponible.

Les lignes sont identifiées par TEX| ou RES|

TEX c'est du texte libre qui précède et décrit la ligne suivante

RES qui est structurée en 14 segments

Voici le standard :

RES-01

Type de segment RES

RES-02

Libellé de l'analyse      En    texte clair

RES-03

Code de l'analyse

Défini par le médecin ou selon codification retenue par    la commission technique HPRIM

RES-04

Type de résultat      A pour numérique, N pour    numérique, C pour code

RES-05

Résultat 1

Les résultats numériques doivent être transmis sans espace ni virgule.

/ Le séparateur décimal est le point.

// Un résultat numérique peut être précédé de son signe + ou -

RES-06

Unité 1 Les unités sont exprimées en système MKSA

RES-07

Valeur normale inférieure 1

RES-08

Valeur normale supérieure 1

## RES-09

Indicateur d'anormalité	L inférieur à la normale
//	H supérieur à la normale
//	LL inférieur à la valeur panique basse
//	HH supérieur à la valeur panique haute
//	N normal

## RES-10

Statut du résultat	F validé
//	R non validé
//	C modifié, corrigé

## RES-11

Résultat 2 Ce champ et les 3 suivants permettent de communiquer le résultat dans une deuxième unité

RES-12

Unité 2

RES-13

Valeur normale inférieure 2

RES-14

Valeur normale supérieure 2

Commentaires :

Certains labos n'utilisent pas toutes les sections Cravero s'arrête à la 10°

DALLE n'insérait pas les unités &hellip;



Comment reconnaître l'examen biologique ?

1° par le libellé RES-02

« HEMOGLOBINE GLYQUEE (HbA1C) »

Ailleurs est écrit « HEMOGLOBINE GLYQUEE »

Ailleurs « (HbA1C) »

Ailleurs « HEMOGLOBINE GLYQUEE... »

Ailleurs « HEMOGLOBINE GLYQUEE... »

: est explicite pour l'homme

Mais pas pour l'ordinateur, il faut faire un apprentissage

2° par le libellé RES-03

Code de l'analyse

Evidemment ce serait là la clé de notre problème... un standard... au moins national !

Or il s'avère qu'il y a un standard par labo...

Que l'on s'appuie sur l'un ou sur l'autre, il faut recourir à un outil d'apprentissage des codes pour chaque labo et ceci pour CHAQUE MEDECIN !!!

Puisqu'il semble qu'il y ait un projet CHAMPAGNE qui travaille sur ce sujet transmission par Apicrypt selon la norme H2, il me semble pertinent qu'il y ait un travail qui constitue un relevé de toutes les normes des labos en CHAMPAGNE